

IGFA_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+... MSSSHLFYALCLLTFTSSATA-----GPE TL CGAELVDALQFVCGDRGFYFN-----KPTGYGSSRRAPQT-----
IGF2_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+... MGIPMGKSNLVLTLTAFASCCIA-----AYRPS E TL CGGELVDTLQFVCGDRGFYFSRPA-----SRVSRRSR-----
INS_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+... MALWMRLPLALLALWGPDPAAA-----FVNQHL CGSHLVEALYLVCGERGFYTPKTRR-----EADLQVGQVELGGPGAGSLQPLALEGSLQKR-----
REL2_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+... MPRLFFHLLGVCLLNQFSRAVA-----DSWMEEVTKLGR ELVRAQIAICGMSWTSKR-----SLSQEDAPQTPRPVAEIVPSFINKDTETINMMSEFVANLPQELK-----
REL1_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+... MPRLFLHLLFCLLNQFSRAVA-----KWKDDVIKLCGR ELVRAQIAICGMSWTSKR-----SLSQEDAPQTPRPVAEIVPSFINKDTETIIIMLEFIANLPPELK-----
HSL1LH	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+... MDPRLPAWALVLLGPALVFALGPA-----PTPEMREKLCGHFVRA LVRVCGGRPWSTEARR-----PAAGGDLPTQSHHRRHR-----
INSL4	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+... MASLFRSYLPAIWL LLSQLRESLA-----AELRGCGPRFGKHL LSCVPMPEKFTTTTPGGWL-----LESGRPEMVS TSNKDGQALGTTSEFIPNLSP ELKKPLSEGO PSL-----
zins2_rat	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+... MKQLCCSCLLWLGLLLA-----PFSQEQEEVTSPTKLCGRDLLVEVILCGQNDWSRF-----SMEEQSPMTELVPQYTRKVKTENPHRSSSSWGRTNPGVSKKATHT-----
zins2_human	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+... MPRLRLSLLWLGLLV-----RFSRELS DISSARKLCGRYL VKEIEKLCGHANWSQF-----RFEETPF SRLIAQASEKVEA VSPYQFESPQTASPARGRGTNPVST S-----
IGFA_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+... -----GIVDECCFRSCDLRRL EMYCAPLKPAKSARSVRAQRHTDM-----
IGF2_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+... -----GIVEECCFRSCDLALLE TYCATPAKSERD VSTPPTVL PDN-----
INS_HUMAN	100...+...110...+...120...+...130...+...140...+...150...+...160...+...170...+...180...+... -----GIVEQCCTSI CSLYQLENYCN-----
REL2_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+... LTLSEMQPALPQLQQHVPVLKDSLLFEFEFKKLRNQSEAADSSPELKYLGLDTHSRKKR-----QLYSALANKCCHVGCTKRS LARFC-----
REL1_HUMAN	100...+...110...+...120...+...130...+...140...+...150...+...160...+...170...+...180...+... AALSERQPSLPELQQYVPALKDSNL SFEFEFKKLRNQSEAADSNPSELKYLGLDTHSQKKR-----RPYVALFEKCC LIGCTKRS LAKYC-----
HSL1LH	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+... -----AAATNPARYCCLSGCTQQD L LTLCPY-----
INSL4	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+... KKIILSRKKR-----SGRHRFPDFCCEVICDDGTSVKLCT-----
zins2_rat	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+... WESOSLPNYQLKKEELLPKTG VHSYHGKPYVKS VFQKNTDKMSTFSGLFWGNHPQRKR-----GFADKCAIGCSKEELAVACL PFVDF-----
zins2_human	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+...200...+...210...+... WEEAVNSWEMQSLPEYKDKGYSPLGKTREFFSSSHNIN VYTHENAKFQKRRNKIKT LSNLFWGHPQRKR-----GYSEKCC L TGC KEELSIACL PYIDFKRLKEKRSLVTKI-----
IGFA_HUMAN	1...+...10...+...20...+...30...+...40...+...50...+...60...+...70...+...80...+...90...+...100...+... PKTQKEVHLKNASRGSGAGNKNYRM-----

FIGURE 1A

IGF2_HUMAN	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180
INS_HUMAN	FPRYPVGKFFQYDTWKQSTQRLRRGLPALLRARRGHVLAKELEAFREAKRHRPLIALPTQDPAHGGAPPEMASNRK
REL2_HUMAN	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180
REL1_HUMAN	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180
HSL1LH	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180
INSL4	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180
zins2_rat	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180
zins2_human	+.....110..+.....120..+.....130..+.....140..+.....150..+.....160..+.....170..+.....180

FIGURE 1B